

# INTERPRETATION TABLE

## KIR SSP Genotyping

### Amplification patterns of the KIR alleles

	Well <sup>5</sup>											
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
Length of spec.	145	150	100	200	155	1650	1650	100	205	130	215	200
PCR product			520									
Length of int.	800	1070	1070	1070	1070	430	515	1070	1070	1070	1070	1070
pos. control <sup>1</sup>												
5'-primer(s) <sup>2</sup>	130	208	226	208	226	-16	-16	165	140	236	229	234
	5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-CCg <sup>3'</sup>	5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-TCA <sup>3'</sup>	5'-TCg <sup>3'</sup>	5'-gAg <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-CAC <sup>3'</sup>	5'-CTA <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>
		156	332				-16	165				
		5'-AAA <sup>3'</sup>	5'-TCg <sup>3'</sup>				5'-Tgg <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>				
			344									
			5'-CTg <sup>3'</sup>									
3'-primer(s) <sup>3</sup>	165	243	246	262	276	27	27	185	195	266	288	288
	5'-gCg <sup>3'</sup>	5'-ACA <sup>3'</sup>	5'-AgA <sup>3'</sup>	5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-gAg <sup>3'</sup>	5'-ACA <sup>3'</sup>	5'-ACA <sup>3'</sup>	5'-gAC <sup>3'</sup>	5'-ATg <sup>3'</sup>	5'-CCT <sup>3'</sup>	5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-ggA <sup>3'</sup>
		195	350									
		5'-ATg <sup>3'</sup>	5'-CAA <sup>3'</sup>									
			351									
			5'-ACC <sup>3'</sup>									
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
KIR allele <sup>4</sup>												
2DL1*001-025	1											
2DL2*0010101-010		2										
2DL3*0010101-0010111, 00103-017 <sup>6</sup>			3									
2DL4*00101-022				4								
2DL5A*0010101-00105, 0050101-005010104, 01201-01202, 014-015					5	6						
2DL5B*0020101-004, 00601-011, 01301-01303, 016					5		7					
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
Length of spec.	145	150	100	200	155	1650	1650	100	205	130	215	200

PCR product			520									
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
2DS1*001								8				
2DS1*0020101-008								8				
2DS2*0010101-008									9			
2DS3*00101-005										10		
2DS4*0010101-00104, 01101-01102, 014, 015											11	
2DS4*0030101-0030104, 0040101-0040102, 0060101-0060102, 007-010, 012, 013												12
2DS5*001-011												
3DL1*0010101-003, 0050101-009, 01501-018, 020, 022-035, 038, 040-044, 051-054, 057, 059-068, 073												
3DL1*00401-00403, 019, 021, 036, 037, 039, 056, 072												
3DL2*0010101-062												
3DL3*00101-055												
3DS1*010-014, 045-049N, 050, 055, 058												
2DP1*00101-010												
3DP1*001-002												
3DP1*0030101-0030402												
3DP1*004, 005-010												
KIR allele <sup>4</sup>												
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12

# INTERPRETATION TABLE

## KIR SSP Genotyping

### Amplification patterns of the KIR alleles

Well <sup>5</sup>												
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	
110	135	200	115	130	165	125	235	145	95	210	Neg. control	Length of spec. PCR product
1070	1070	1070	1070	1070	1070	1070	1070	1070	1070	1070		Length of int. pos. control <sup>1</sup>
142	136	110	156	133	29	25	2 <sup>nd</sup> I	130	130	31		5'-primer(s) <sup>2</sup>
5'-ACC <sup>3'</sup>	5'-CAA <sup>3'</sup>	5'-ggg <sup>3'</sup>	5'-CCC <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>	5'-CAT <sup>3'</sup>	5'-Tgg <sup>3'</sup>	5'-gCC <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-gAA <sup>3'</sup>	5'-TCA <sup>3'</sup>		
	208									31		
	5'-CCA <sup>3'</sup>									5'-TCA <sup>3'</sup>		
165	166	164	181	163	71	54	54	165	165	86		3'-primer(s) <sup>3</sup>
5'-gTg <sup>3'</sup>	5'-CAA <sup>3'</sup>	5'-CAA <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-gga <sup>3'</sup>	5'-TAC <sup>3'</sup>	5'-TAC <sup>3'</sup>	5'-TAC <sup>3'</sup>	5'-gCC <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-CCA <sup>3'</sup>		
	238											
	5'-CCg <sup>3'</sup>											
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.
												KIR allele <sup>4</sup>
												2DL1*001-025
												2DL2*0010101-010
												2DL3*0010101-0010111, 00103-017 <sup>6</sup>
												2DL4*00101-022
												2DL5A*0010101-00105, 0050101-05010104, 01201-01202, 014-015
												2DL5B*0020101-004, 00601-011, 01301-01303, 016
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.
110	135	200	115	130	165	125	235	145	95	210	Length of spec.	

												PCR product	
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.	
								21				Neg. control	2DS1*001
									22				2DS1*0020101-008
													2DS2*0010101-008
													2DS3*00101-005
													2DS4*0010101-00104, 01101-01102, 014, 015
													2DS4*0030101-0030104, 0040101-0040102, 0060101-0060102, 007-010, 012, 013
13													2DS5*001-011
	14												3DL1*0010101-003, 0050101-009, 01501-018, 020, 022-035, 038, 040-044, 051-054, 057, 059-068, 073
	14										23		3DL1*00401-00403, 019, 021, 036, 037, 039, 056, 072
		15											3DL2*0010101-062
			16										3DL3*00101-055
				17									3DS1*010-014, 045-049N, 050, 055, 058
					18								2DP1*00101-010
						19							3DP1*001-002
						19	20						3DP1*0030101-0030402
						19	?					3DP1*004, 005-010	
												KIR allele <sup>4</sup>	
13	14	15	16	17	18	19	20	21	22	23	24	Well No.	